



V Mostra de Extensão, Ciência e Tecnologia

XXX Seminário de Iniciação Científica
XV Salão de Ensino e Extensão
V Mostra da Pós-Graduação Stricto Sensu
IV Seminário de Inovação Tecnológica

De 28 de outubro a
01 de novembro de 2024

INSCRIÇÕES ABERTAS

 UNISC

Título:	IDENTIFICAÇÃO DAS VARIANTES GENÉTICAS DO VÍRUS SARS-COV-2 NA REGIÃO DO CONSÓRCIO INTERMUNICIPAL DE SERVIÇOS DO VALE DO RIO PARDO (CISVALE)		
Autores:	Eduarda Goettert Erika Barreto Knod Francielle Pasqualotti Meinhardt Lia Gonçalves Possuelo Andreia Rosane de Moura Valim		
Área	<input type="checkbox"/> Humanas <input type="checkbox"/> Sociais Aplicadas <input checked="" type="checkbox"/> Biológicas e da Saúde <input type="checkbox"/> Exatas, da Terra e Engenharias	Dimensão:	<input type="checkbox"/> Ensino <input checked="" type="checkbox"/> Pesquisa <input type="checkbox"/> Extensão <input type="checkbox"/> Inovação
Resumo:	<p>Introdução: a pandemia de COVID-19, causada pelo vírus SARS-CoV-2, destacou a importância do contínuo monitoramento das variantes genéticas do vírus para compreender sua propagação e impacto nas diferentes regiões. As variantes, que surgem em função de mutações no genoma viral, podem influenciar a transmissibilidade, virulência e resposta às vacinas, tornando essencial a identificação e caracterização dessas variantes em nível local e regional. Objetivo: monitorar a entrada das variantes genéticas do vírus SARS-CoV-2 circulantes em amostras provenientes de pacientes residentes nos municípios que compõem o Consórcio Intermunicipal de Serviços do Vale do Rio Pardo (CISVALE). Metodologia: foram analisadas 87 amostras positivas para o SARS-CoV-2 que chegaram ao laboratório no período entre janeiro e abril de 2022. As amostras foram obtidas por meio de swab nasofaríngeo de pacientes suspeitos para COVID-19 e enviadas para o Laboratório de Diagnóstico Molecular do TecnoUnisc. As variáveis analisadas foram: sexo, faixa etária, média de Ct (Cycle Threshold) e a presença ou ausência da mutação Ômicron (BA.1 e BA.2). A extração dos ácidos nucleicos foi realizada com automação utilizando o kit comercial MagMAX CORE Nucleic Acid Purification Kit™. A RT-qPCR foi realizada por meio do sistema AGPATH, com amplificação do gene E do vírus e do gene da RNA polimerase humano para controle do material biológico. Para a identificação das variantes foi realizada uma triagem das linhagens que identificam as sublinhagens da variante Ômicron (BA.1 e BA.2), utilizando um conjunto de primers e sonda da deleção 69/70.</p>		

Site do Evento: www.unisc.br/Mostra



V Mostra de Extensão, Ciência e Tecnologia

XXX Seminário de Iniciação Científica
XV Salão de Ensino e Extensão
V Mostra da Pós-Graduação Stricto Sensu
IV Seminário de Inovação Tecnológica

De 28 de outubro a
01 de novembro de 2024

INSCRIÇÕES ABERTAS

 UNISC

Principais resultados: foram realizados 87 testes de triagem da deleção 69/70. Um total de 59 (67,81%) pacientes eram mulheres e 28 (38,19%) eram homens. A média de idade foi de 43 anos para as mulheres e 42 anos para os homens. A média de Ct do gene E do vírus foi de 25,62. Em relação à triagem das linhagens, foram analisadas 87 (100%) amostras, sendo 15 (17,24%) pertencentes à sublinhagem Ômicron BA.1, 66 (75,86%) à BA.2 e 6 (6,89%) não amplificadas, podendo ser outra variante. Cerca de 46 (52,87%) pacientes do sexo feminino, foram detectados com a BA. 2, e 8 (9,19%) com BA.1. Para cada faixa etária, sendo elas: < 18 anos, 18 a 29 anos, 30 a 45 anos, 46 a 60 anos e acima de 60 anos, observou-se o predomínio da sublinhagem BA.2. **Conclusão:** no período analisado houve a predominância da sublinhagem Ômicron BA.2 entre as amostras, evidenciando sua disseminação durante o período de coleta. A presença de diferentes sublinhagens, como a BA.1 e outras variantes potenciais, destaca a importância da vigilância contínua e adaptada ao perfil epidemiológico local. Esse monitoramento é fundamental para direcionar estratégias de saúde pública mais eficazes e alinhadas com a realidade da região, contribuindo para o controle da pandemia.

Link do Vídeo:

https://drive.google.com/file/d/10TpJzN68n0gXuonCws7kc8W4uv1FHpOa/view?usp=drive_link